GCCCCTCGCTCGCTCGCTCCTTCCCGCCCTCCCCGCAGCGCCGGCCGAGCCGG
CTTCCCCTCAGTCTCTCATGAATATTGAGCGGCCCCTGTTGTATTTCCCGAGCT
CCATTGCGGAAGCTGAGGCTCGCCATATTGTGCGGCGGCGCCGGCGTCCGCG
GCAGCTGATACCAGAGTCTTGCTCCGGCCGCGGCCAGCGGAGCCCTGGGCTG
GGGCAGGAGCCGCAATGTCTCAGGCTGTGCAGACAAACGGAACTCAACCATT
AAGCAAAACATGGGAACTCAGTTTATATGAGTTACAACGAACACCTCAGGAG
GCAATAACAGATGGCTTAGAAATTGTGGTTTCACCTCGAAGTCTACACAGTG
AATTAATGTGCCCAATTTGTTTGGATATGTTGAAGAACACCATGACTACAAAG
GAGTGTTTACATCGTTTTTGTGCAGACTGCATCATCACAGCCCTTAGAAGTGG
CAACAAAGAATGTCCTACCTGTCGGAAAAAACTAGTTTCCAAAAGATCACTA
AGGCCAGACCCAAACTTTGATGCACTCATCAGCAAAATTTATCCAAGTCGTG
ATGAGTATGAAGCTCATCAAGAGAGAGTATTAGCCAGGATCAACAAGCACAA
TAATCAGCAAGCACTCAGTCACAGCATTGAGGAAGGACTGAACATACAGGCC
ATGAACAGACTGCAGCGAGGCAAGAAACAACAGATTGAAAATGGTAGTGGA
GCAGAAGATAATGGTGACAGTTCACACTGCAGTAATGCATCCACACATAGCA
ATCAGGAAGCAGGCCCTAGTAACAAACGGACCAAAACATCTGATGATTCTGG
GCTAGAGCTTGATAATAACAATGCAGCAATGGCAATTGATCCAGTAATGGAT
GGTGCTAGTGAAATTGAATTAGTATTCAGGCCTCATCCCACACTTATGGAAA
AAGATGACAGTGCACAGACGAGATACATAAAGACTTCTGGTAACGCCACTGT
TGATCACTTATCCAAGTATCTGGCTGTGAGGTTAGCTTTAGAAGAACTTCGAA
GCAAAGGTGAATCAAACCAGATGAACCTTGATACAGCCAGTGAGAAGCAGT
ATACCATTTATATAGCAACAGCCAGTGGCCAGTTCACTGTATTAAATGGCTCT
TTTTCTTTGGAATTGGTCAGTGAGAAATACTGGAAAGTGAACAAACCCATGG
AACTTTATTACGCACCTACAAAGGAGCACAAATGAGCCTTTAAAAACCAATT
CTGAGACTGAACTTTTTTATAGCCTATTTCTTTAATATTAAAGATGTACTGGC
ATTACTTTTATGGAGATCTTGGATATGTTGTTCAATTTTCTTTCTGAGCCAGAC
TAGTTTACGCTATTCAAATCTTTTCCCCTTTATTTAAGATTTCCTTTTTGGAAG
GGACTGCAATTATTCAGTATTTTTTTCTTTCCTTTAAAAAAATATATCTGAAGT
TTCTTGTGTTTTTTTTTTTCCCCACAAAGTGTGTTTCCACTTGGAGCACCATTT
TGACCCAGGAATTTTTCATAGTTTCTGTATTCTTATAAGATTCAGTTGGCTGTC
CTTTTCCTGCTCCCCTCAAAAGATTTTTAGTCATACAGAATGTTAAATATTAT
GTATTCTGACTTTTTTTTTCCCCCGGAGTCTTGTATATTTATAGTTTTCCTATAT
AAACTGTAGTATCTTCATGAAGAACCCAAGGCTCAAATTTACTGTCCTTAAAA
ACAATTCTCATAGGATTATTCTTTTCATGGTATTTTCTTCCATAATATCTCATT
TTAAAAAGAAGTTCTTTATGAAACTTAGTGTCCATTGTCATGCAATGTTTTTTT
TTTCCATTCTTTTTCCCCTGTAATTTTGGAATTTCTGGTCCTGGGAAGAATCAA
ACAAAATCTTAAGTTCTATGAGAACTTGGTTCATTGACATATTCTGCTGAAGA
AAGAAAAATTAAATTGGTAGTAAAATATAGTCTTCAAGTATACGTTTGAGAG
TGCTTTTTTTTGTATTAGTTCTGCTGTCACTTCATTTCCTGTATTATATGTGATG
TTTTTCCCCATTAAAATACCAGAGATAATGGAGATATTTTGCACTTTAGCCTT
GATGAAAAGTACAAGATATGTTCAAAGCTTCCCTAATTTTTTTCTTATTTGTA
GCCACATAAGTTTCAAGAATAACATGGCACACAGAACAATGGAAAAAAGTTT
GTTTCCATTGGAAAATTATATCATTTTGGGTTGCCACATCAGTTTATAAATTTG
GCGCTCTTTTAATTACACTCTGTAGAAGGTTAATAGAGCTTGAGCCCTGCTTT
AATATGTAGTGAAAGATAATTCTGTAGAAAAACGTCAGCCAGTAGGGTAAAG

FIGURE 1 (a)

TCATTCTACTGTTCTTAATTTTTATATTGAGGAACAATATTGGGTGTTTGGGAG
CCAGAAAGCTTTGTTGACAGATCAGAAATAAGATTGACTTGGGTGTTATATTT
CATCTCTCTCCAGACTCTAGGTATATTTCCAACTTTATATATCACAGTATTTAA
AAAGACATGTTTGCATTGAGAAATTAACCCTAAAGGGTTTTCAATAGGGTGT
AGACCTCCAGTACCTTTGTAACTAAAGTCTGTCTAGTCATTGTAAATATTTAT
CTGTCAGTTTTGACAGATTGGGGCCAGCTTGATGTTTTAAATCTTCAGCCCGG
TATGAAAACTTAAAGGTATATATTCAATTTTTTACCATTTTATGGAAAATATT
TAAAATTTGTTTTTACAGGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAATCTGTGC
CATGAAATTTGAAAACCACCAAAAATCAAGGGAACTTTTATATATTCAATTC
CTTTTCTGGTGTAATGTTAAAGTTGTATAGATTATTAATGCATGCCCACTGAA
TATAACCCTGGTTTTGTGATAAAACTGCTTAGATTTTGTTGATGACATTAGAT
TAGTAGTTGCATTAAATAACTAAATTCCCATTGTGATTAATTGAAATTTTGTC
TTTAAGCAGAGAGTTATTTGTGACTATAAGCTTTGTGCTTAGAGAATGTATGT
GTTTTTATCTGTCAGTATGGGAGGATATAAACTGCATCATTAGTGAAATTATT
GGTTGTGTAATCCTTTGTGAAATATAATTCTAGGTATTTGATAGGGTATTGAG
TGTATTTTGTGTGTGTGTGGATGTGTGTTTTGGGGTACGGGGAGAGGCGATGC
TATTGGCCATCACTACCAACCAGGGTTTCAAAAAGTATATACCTAAGTAATTT
CTTTTATCACTACCTCAACTGAGGAAGAAAAGGCTCACCACAAGTGGTGTGA
AGGCTTTGGGTACTTAGTTCTAAATTTTTTATGGTAACATATACATAGCCAC
ATTTACAGTTTTAACCATTTTAAGGCATGTAATTCAGTGGGGTTAGGTACATT
CACAATGTTGTGTAATGATCACCGCCGTG

FIGURE 1 (a)

man protein
significance

MSQAVQTNGTQPLSKTWELSLYELQRTPQEAITDGLEIVVSPRSLHSELMCPICLDM
LKNTMTTKECLHRFCADCIITALRSGNKECPTCRKKLVSKRSLRPDPNFDALISKIY
PSRDEYEAHQERVLARINKHNNQQALSHSIEEGLKIQAMNRLQRGKKQQIENGSG
AEDNGDSSHCSNASTHSNQEAGPSNKRTKTSDDSGLELDNNNAAMAIDPVMDGA
SEIELVFRPHPTLMEKDDSAQTRYIKTSGNATVDHLSKYLAVRLALEELRSKGESN
QMNLDTASEKQYTIYIATASGQFTVLNGSFSLELVSEKYWKVNKPMELYYAPTKE
HK

Figure 1(b)

Mouse ɪrtial Bap-1 DNA sequence Sec⁻ nce

10	20	30	40	50	
1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	
AGTGGAGCAG	AAGATAATGG	TGACAGCTCC	CACTGTAGTA	ACGCATCCAC	50
ACACAGCAAC	CAGGAAGCGG	GCCCGAGTAA	CAAACGGACC	AAAACCTCTG	100
ATGACTCTGG	GCTTGATCTT	GATAACAACA	ATGCAGGAGT	GGCGATTGAT	150
CCAGTCATGG	ACGGTGCCAG	TGAGATTGAG	TTAGTCTTCA	GGCCCCATCC	200
AACTCTTATG	GAAAAGGACG	ACAGCGCACA	GACGAGATAC	ATAAAGACTT	250
CAGCCAATGC	CACTGTTGAT	CACTTATCCA	AGTATCTGGC	TGTGAGGTTA	300
CCTTTAGAAG	AACTTCGAAG	CAAAGTGA			328

Fig. 2 (A)

Protein sequence

SGAEDNGDSSHCSNASTHSNQEAGPSNKRTKTSDDSGLDLDNNNAGVAIDPVMD
GASEIELVFRPHPTLMEKDDSAQTRYIKTSGNATVDHLSKYLAVRLALEELRSKV

Figure 2 (b)